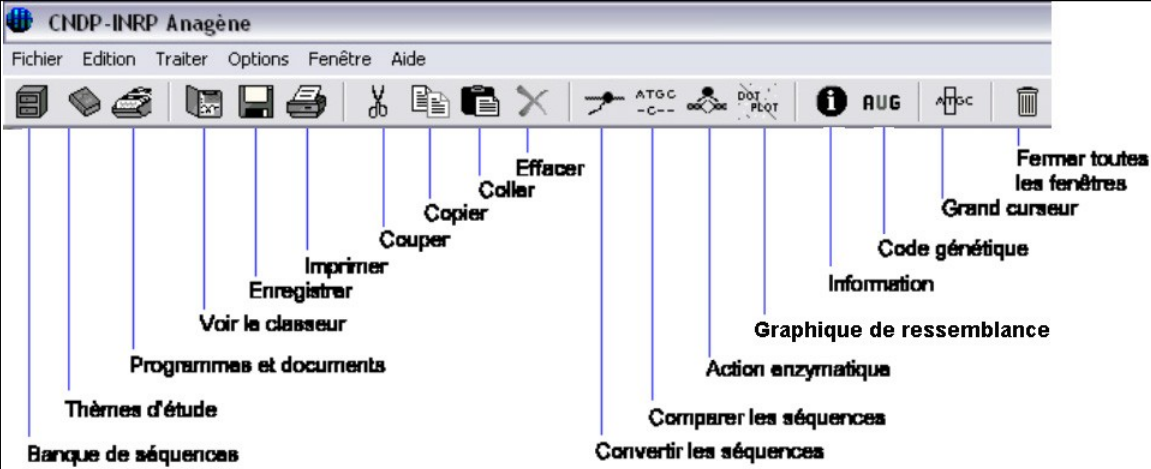


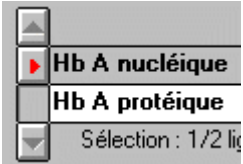


## UTILISATION DES ENZYMES DE RESTRICTION AVEC ANAGENE 2

Les icônes de la barre d'outils		Numérotation des éléments d'une séquence	
		 <p style="text-align: center;">Échelle de repérage des nucléotides</p> <p><b>Cliquer</b> sur l'échelle pour passer de l'échelle des nucléotides à celle des acides aminés</p>	
		<b>Utiliser le curseur</b>	
		<p><b>Surligner</b> pour <b>sélectionner</b> la partie de la séquence choisie. <b>Cliquer</b> sur l'icône « grand curseur ».</p>	
		<b>Bulles d'aide</b>	
		<p>Pour vous aider, une <b>bulle d'aide</b> s'affiche sur l'objet pointé par le curseur de la souris</p>	
Sélectionner une séquence		Traiter par action enzymatique 	
	<p><b>Cliquer</b> sur le bouton de sélection. La séquence sélectionnée s'inscrit sur fond blanc. On peut <b>sélectionner</b> plusieurs séquences. La <u>flèche rouge</u> indique la ligne pointée sur laquelle il est possible d'<b>obtenir des informations</b> ou qu'il est possible de déplacer à l'aide des flèches grises haut-bas. Les <u>flèches grises</u> en haut et en bas permettent de <b>déplacer</b> la séquence sélectionnée et ainsi de <b>choisir</b> la séquence de référence (première de la liste).</p>		
		<p><b>Sélectionner</b> au préalable les séquences d'ADN. « <b>Traiter / Action enzymatique</b> » puis <b>sélectionner</b> les enzymes dans la banque ou par « Fichier ».</p> <p><b>Choisir</b> le type de représentation : graphique pour <b>obtenir</b> la carte des sites de restriction et/ou tableau du nombre de sites.</p> <p><b>Cliquer</b> sur « OK ».</p>	
Représenter graphiquement des sites de restriction		Mode d'affichage de la carte de restriction	
<p>La représentation graphique affiche la carte de restriction.                  La représentation tableau affiche le nombre de sites de restriction pour plusieurs enzymes.                  La première s'affiche en général en masquant la seconde : décaler la fenêtre pour voir les 2.</p>		<p>Les sites de restriction s'affichent en rouge.                  Pour <b>observer</b> le mode de coupure de l'enzyme, <b>faire glisser</b> le curseur vert sur le trait rouge matérialisant la localisation du site de restriction.</p>	
Comparer les séquences		<p>Attention : les fenêtres ouvertes sont parfois masquées car empilées les unes sur les autres. <b>Utiliser</b> le menu « Fenêtre/Mosaïque ».</p>	
<p>La séquence référence est toujours celle qui est placée en premier :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- la « comparaison par alignement » permet de <b>comparer</b> avec discontinuités, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s)</li> <li>- la « comparaison simple » compare point par point des séquences à partir du début de la séquence.</li> </ul>			